



Заработал анонсированный «облачный» интернет-сервис для пользователей Illumina – «BaseSpace Digital Cloud».

Программа позволяет клиентам получить полный доступ к многочисленным интернет-приложениям для анализа геномных данных без использования высокопроизводительных суперкомпьютеров и высококвалифицированных специалистов-биоинформатиков.

Стало доступным приложение «MyGenome» для iPad, позволяющее пользователям исследовать полный человеческий геном.

Анализ важнейших геномных данных проводится с помощью интуитивно-понятного интерфейса с функцией самонастройки.



Новые наборы для подготовки образцов ДНК к секвенированию Nextera XT DNA Sample Preparation kits стали самым удобным и быстрым решением в 2012 году.

Для приготовления геномных библиотек ДНК для малых геномов, ПЦР-амплифицированных продуктов и плазмид теперь требуется 2 часа вместо 8-12 часов при стандартной процедуре пробоподготовки. Без ультразвука и гель-электрофореза!

Новые наборы Nextera поддерживаются платформами MiSeq и HiSeq Systems.



Illumina вступила в коллаборацию с Cold Spring Harbor Laboratory.

CSH - некоммерческая организация, занимающаяся исследованиями в области онкологии, нейробиологии, генетики растений, геномики и биоинформатики, вошла в сообщество Illumina Genome Network.

Квинслендский Центр Медицинской Геномики (Queensland Centre for Medical Genomics) заменяет всю линейку секвенаторов SOLiD 5500 (Applied Biosystems) на три HiSeq2500 (Illumina).



Новое приложение iSAAC для анализа геномных данных.

Помогает провести самую сложную и трудозатратную процедуру выравнивания и картирования сиквенсовых ридов в 10 раз быстрее существующих аналогов, значительно ускоряя и упрощая этот важный компонент анализа данных.

Выпущены новые наборы для экзомного обогащения и анализа геномных регионов по запросу клиента.

Это позволит пользователям значительно расширить область своих исследований: создавать собственные целевые панели генов интереса и проводить исследования только кодирующих последовательностей генома человека (экзонов).

Для проведения исследований требуется всего 50 нг ДНК.
